

SECUENCIACIÓN DE FRAGMENTOS DE ADN CON CAMBIOS DE METILACIÓN EN EXPLANTOS DE AJO



Magalí Gimenez
Lic. en Biología Molecular
Becaria Doctoral CONICET
Directora: Dra. Sandra García Lampasona
Laboratorio de Biología Molecular

El cultivo in vitro de vegetales puede ocasionar cambios genéticos y epigenéticos que son denominados genéricamente como variación somaclonal. Dentro de los cambios epigenéticos una de las metodologías predilectas para estudiar la metilación de citosinas es MSAP (*Methylation Sensitive Amplification Polymorphism*).

En nuestro grupo de trabajo estudiamos la secuencia de fragmentos de DNA obtenidos a partir de MSAP de explantos de ajo (*Allium sativum* L.) pudiendo identificarse entre ellas secuencias de expresión (ESTs) y elementos transponibles. A partir del conocimiento estructural de los retrotransposones se desarrolló un método basado en PCR para aislar estos elementos a partir de mRNA.

Los resultados sugieren que el tiempo de permanencia en el cultivo in vitro produce cambios en la metilación de genes y elementos móviles, los cuales se estarían expresando activamente y de esta manera generando variación somaclonal.